

----- Přeposlaná zpráva -----

Předmět:RE: zadost o cenovou nabidku - potvrzeni objednávky - 18NQ043

Datum:Wed, 10 Oct 2018 16:15:56 +0200

Od:*****|***** <*****>

Adresa pro odpověď:*****

Společnost:SEQme

Komu:*****

Kopie:*****

Dobrý den,

děkujeme Vám za Vaši objednávku a zasíláme potvrzení o jejím přijetí.

S pozdravem



Office Executive Manager

Tel.: +420-*****

SEQme s.r.o.

Dlouha 176, 26301 Dobruška

Czech Republic

www.seqme.eu

VAT ID No. CZ24312819, Company Reg. No. 24312819.

Company is registered in the Commercial Register maintained by the Municipal Court in Prague, section C, file 195507.

Ráda bych využila příležitosti a upozornila Vás na naše nadcházející kurzy:

- *Kurz Základy Next-generation sekvenování – 2-denní teoretický úvod do NGS pro začátečníky, 6-7/11/2018 v Brně. Informace [zde](#).*
- *Kurz Real-Time PCR včetně analýzy dat v programu qbase+ - 2-denní workshop zaměřený na analýzu dat, 8-9/11/2018 v Brně. Informace [zde](#).*

----- Forwarded message -----

From: ***** <*****>

Date: st 10. 10. 2018 v 14:44

Subject: Re: zadost o cenovou nabidku

To: *****|***** <*****>

Dobrý den,

souhlasím s cenovou nabídkou 18NA368 ze dne 1.10.2018 a objednávám u Vaší firmy sekvenování tří vzorků DNA metodou PacBio podle cenové nabídky. Prosím o zaslání potvrzení objednávky.

S pozdravem,

Dne 25.9.2018 v 13:48 ***** |*****napsal(a):

Vážený pane *****,

v příloze zasílám nabídku na vyžádané sekvenační služby.

Přeji pěkný den



Application Specialist

www.seqme.eu

Tel.: +420-*** ** *

----- Přeposlaná zpráva -----

Předmět:zadost o cenovou nabidku

Datum:Tue, 25 Sep 2018 11:51:49 +0200

Od:*****

Komu:*****

Vážený pane *****,

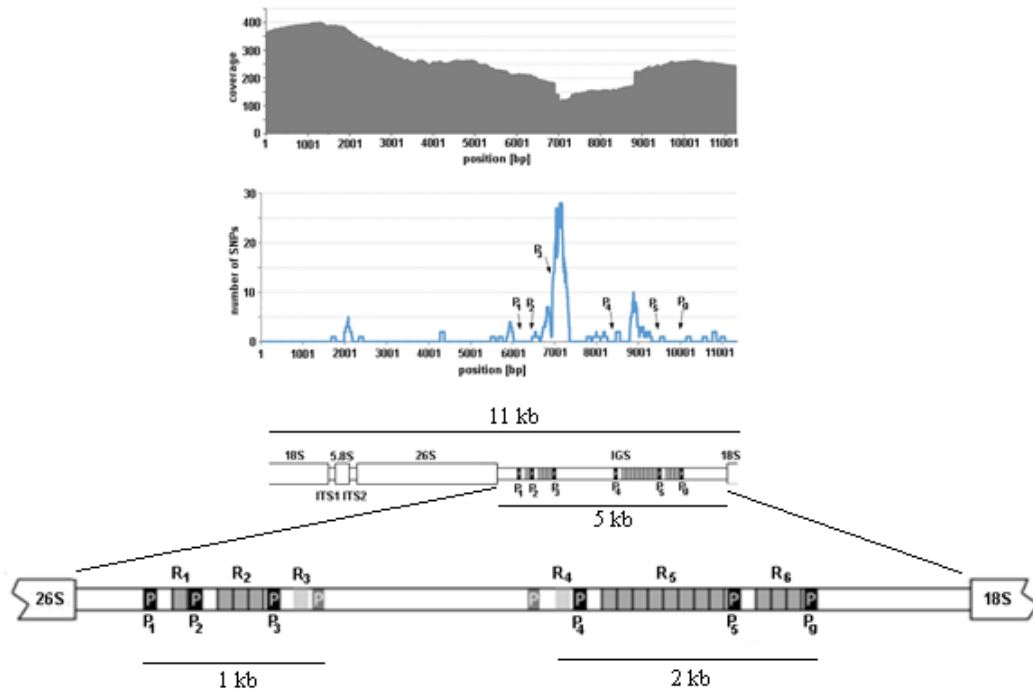
prosil bych o zaslání cenové nabídky na přímé sekvenování tří vzorků rostlinné jaderné DNA metodou PacBio. Bylo by vhodné vzorky nafragmentovat tak, aby přesnost sekvenace byla v průměru 99.99 %. Nepožadujeme tedy knihovnu extrémně dlouhou, spíše nám záleží na kvalitě. Předpokládám průměrnou délku kolem 5 kb. Více informací viz. přiložený text s obrázkem.

S pozdravem,

Vážený pane *****,

prosím bych o zaslání cenové nabídky na přímé sekvenování tří vzorků rostlinné jaderné DNA metodou PacBio. Bylo by vhodné vzorky nafragmentovat tak, aby přesnost sekvenace byla v průměru 99.99 %. Nepožadujeme tedy knihovnu extrémně dlouhou, spíše nám záleží na kvalitě. Předpokládám průměrnou délku kolem 5 kb. Více informací viz. příložený text s obrázkem.

Cílová sekvence, ribosomální DNA, tvoří v genomu repetitivní oblast s délkou základní monomerní jednotky 11 kb (obr). Tuto jednotku tvoří tři vysoce homogenní nerepetitivní geny pro 18S, 5.8S a 26S rRNA a přibližně 5kb dlouhý intergenový spacer (IGS), jenž je ve srovnání s geny mnohem více heterogenní a to jak co do délky tak i frekvence SNP a to převážně v důsledku přítomnosti subrepetitivních tandemových oblastí R a rozptýlených repetitivních P. My se zaměřujeme právě na tuto strukturně velmi komplikovanou oblast a to hlavně pokud se jedná o přítomnost SNPs a počtu subrepetitivních jednotek, jež mohou být odlišné mezi jednotlivými IGS (rDNA jednotkami). Připojený obrázek představuje předběžné výsledky přimapovaných PacBio ROIs k referenční rDNA a to pokud jde o pokrytí a homogenitu jednotlivých oblastí celé jednotky rDNA.



S pozdravem,
