

Odběratel:



UNIVERZITA KARLOVA
PŘÍRODOVĚDECKÁ FAKULTA
Albertov 6
128 00 PRAHA 2
Česká republika

DIČ: CZ00216208
 IČ: 00216208

PID:

Smlouva:

Číslo účtu

Peněžní ústav:

Komerční banka, a.s.

Konečný příjemce:

311620 Katedra ekologie

Dodavatel:

IČ: 24312819

DIČ: CZ24312819

SEQme s.r.o.**Dlouhá 176****263 01 Dobříš**

Platnost objednávky do:

31.12.2025

Termín dodání:

30.06.2025

Formát úhrady:

Příkazem

Termín úhrady:

Místo dodání: Univerzita Karlova Přírodovědecká fakulta, Viničná 7, 128
 00 Praha 2

Způsob dopravy: Služba

Dodací podmínky:

DODEJTE:

Nabídka: 25NA250

Položkový rozpis:

Položka	Množství	MJ	Cena/MJ bez DPH	Celkem bez DPH
---------	----------	----	-----------------	----------------

SO-192

Metagenome profiling, up to 190 samples, >20K
 reads/sample

Celkem:**97 831,40 CZK****Předpokládaná cena celkem (bez DPH):****97 831,40 CZK****Datum schválení:** 18.06.2025**Za dodavatele:****Schválil:****Přijímáme a zavazujeme se plnit.**

Razítko, podpis

Informace pro dodavatele:

- 1) Tato objednávka musí být zveřejněna v Registru smluv Ministerstva vnitra. Proto musí dodavatel tuto objednávku neprodleně potvrdit:
 - a) na e-mail objednatele uvedený v záhlaví
 - b) podpisem na listinné objednávce a doručením objednateli.
- 2) Dodavatel přijetím této objednávky souhlasí, že budou zveřejněny veškeré údaje obsažené v objednávce.
- 3) Pokud bude dodavatel plnit před potvrzením této objednávky, zodpovídá za škodu, která tím objednateli případně vznikne.
- 4) Je vyloučeno přijetí této objednávky ze strany dodavatele s dodatkem či odchylkou.
- 5) V případě prodloužení dodavatele s dodáním objednaného plnění má objednatel právo odstoupit od této objednávky.
- 6) Navýšení ceny a změna plnění je možná pouze po písemném odsouhlasení objednatele, přičemž změna objednávky podléhá rovněž zveřejnění v Registru smluv.
- 7) Dodavatel vystaví fakturu až po dodání objednaného plnění. Objednatel neproplácí fakturu, která nebude obsahovat číslo této objednávky a nebude mít náležitosti daňového dokladu. Splatnost faktury je 21 dnů od doručení objednateli.
- 8) Pokud je předmětem plnění spotřební zboží, poskytuje dodavatel záruku za jakost v minimální délce 24 měsíců s odstraněním záruční vady do 30 dnů od nahlášení záruční vady dodavatel, nebude-li stranami pro konkrétní případ sjednána jiná lhůta pro odstranění vady. Záruka se nevztahuje na rychle opotřebitelné součásti ani na spotřební materiál. **Po dobu odstraňování záruční vady záruční doba neběží.**

Interní údaje objednatele:

Příkazce operace a správce rozpočtu a osoba, která tuto objednávku vystavila, vyhotovením této objednávky prohlašují, že neexistuje na jejich straně střet zájmů vůči dodavateli. Případně doplnit - tj. že jejich osobní zájmy nemají vliv na tuto objednávku nebo jednají v nejlepším zájmu Přírodovědecké fakulty UK.

CENOVÁ NABÍDKA

Odběratel: Univerzita Karlova Ovocný trh 560/5 116 36 Praha 1 Česká republika DIČ: CZ00216208 IČ: 00216208	Příjemce: Přírodovědecká fakulta Katedra ekologie Lia Costa Pinto Wentzel, M. Sc. Viničná 7 128 44 Praha 2 E-mail: [REDACTED]	Dodavatel: SEQme s.r.o. Dlouhá 176 263 01 Dobříš Česká republika IČ: 24312819 DIČ: CZ24312819 E-mail: [REDACTED]
Nabídka č.: 25NA250 Datum zápisu: 17.06.2025 Platno do: 15.07.2025		

Kód	Popis	Množství
SO-192	Metagenome profiling, up to 190 samples, >20K reads/sample	■
Součet položek		97 831,40
NABÍDKOVÁ CENA CELKEM BEZ DPH		Kč 97 831,40

Nabídka zahrnuje: Výše definované sekvenační služby a dodání hrubých dat. Detailní specifikaci sekvenačních služeb naleznete rovněž na našich webových stránkách.

Nabídka nezahrnuje: Náklady na doručení vzorků a analýzu dat pokud nejsou výslovně zmíněny výše.

Termín dodání výsledků: Dohodou

Vystavil:

Email:

Phone:

Prosíme o uvádění našeho čísla nabídky/zakázky při veškeré korespondenci s námi.

Firma je zapsána v Obchodním rejstříku, vedeném Krajským obchodním soudem v Praze, oddíl C, vložka 195507.
Objednáním našich služeb nebo zboží souhlasíte se Všeobecnými obchodními podmínkami společnosti SEQme s.r.o. v platném znění, které jsou k dispozici na adrese www.seqme.eu.

Quote Addendum - Please read this document carefully

YOUR CONSENT

- By submitting samples for analyses you agree to all terms and conditions listed including also our General Terms and Conditions.
- If you do not wish to process your samples according to rules specified in this whole document, please do not submit them for analyses and contact us in order to cancel your order.

SAMPLE REQUIREMENTS

- When sending samples for Next-Generation sequencing service, you must follow our Sample Submission Guidelines (SSG). If the conditions set there are not met your samples may not pass our quality control (QC), their sequencing analysis will not be feasible and/or will be delayed until new samples are provided or until we receive your consent to proceed with the existing material.
- Please kindly notice that if your samples do not pass our QC, additional costs for steps taken may be charged. For libraries prepared using samples which have not passed our QC or if customer-prepared libraries are supplied, the technical specifications quoted are considered invalid and the service will be provided at your own risk and invoiced as quoted.
- The sequencing service is carried out under S1 biosafety conditions. Samples submitted must comply with biosafety S1 classification.

SAMPLE SHIPMENT

- If you select sending samples by the courier service, please be aware that samples are transported by external courier services. We are not responsible for any loss of the shipment during transport, delay in its delivery or damage to the shipment before the shipment is properly delivered! The shipment is not insured.
- Depending on where you ship samples from, you may receive additional instructions.

TECHNICAL LIMITATIONS

- Please be aware that due to certain technical limitations, there is always a risk that even when your samples pass our QC the technical specifications quoted (namely read length and count/quality of reads) may not be achieved. This is because the QC test only assesses nucleic acid quantity, integrity and purity (to a certain degree) but does not assess other unrevealable factors e.g. base composition that might negatively affect the outcome of analyses.
- Similarly, library pooling is always performed with due care in order to achieve uniform read distribution but still the count of reads obtained per every pooled library may vary significantly.
- Our sequencing specifications for Illumina sequencers are set using a balanced genomic DNA library since Illumina algorithms are optimized around a balanced representation of ACGT nucleotides. Any divergence from equal base distribution will have a negative impact on the amount and quality of data. Therefore, for samples with low diversity or unbalanced base composition (e.g. amplicons or bisulfite converted samples) a PhiX spike-in will be added to increase the diversity and improve the sequence quality. The exact quantity of a PhiX spike-in used and consequently % of reads that will be represented by the PhiX control library depend on individual sample and sequence characteristics. Please see the Illumina website for details.

STORING OF SAMPLES AND RESULTS

We store samples, sequencing products and results and other data at least for the period specified below:

- Samples - Discarded immediately upon use
- DNA or RNA - At least 3 months starting from the date when we send you a final email confirmation about finishing processing of your order.
- Intermediate products of sample processing - Discarded immediately.
- Sequencing libraries and library pools - If possible, at least 3 months starting from the date when we send you a final email confirmation about finishing processing of your order.
- Results and other data - At least 4 weeks starting from the date when we send you a final email confirmation about finishing processing of your order.

It is strongly recommended that immediately after you download results of analyses (or receive them on a USB flash drive), you create a backup copy of it which you will not manipulate with.

BIOINFORMATIC SERVICES

- Total processing time of a particular bioinformatic procedure depends heavily on amount and nature of analyzed data and analysis pipeline used and can only be estimated.
- Data processing is performed with carefully chosen parameters and using the best suitable software. We encourage you to contact us for details in case of need.
- Any special request for using a particular software, setting specific parameters or deviation in analytic pipeline must be discussed and considered beforehand.

IMPORTANT LINKS:

- Sample Submission Guidelines: <https://www.seqme.eu/documents/ngs-ssg-en.pdf>
- General Terms and Conditions: <https://www.seqme.eu/documents/gtc-en.pdf>
- Sample Submission Sheet: <https://www.seqme.eu/documents/sample-submission-sheet-en.xls>

DELIVERY OF RESULTS

- Delivery time of raw data is approx. 6 weeks from the day the samples pass our QC check.
- Data are delivered online via a secure access account unless a USB flash drive (non-returnable) for data delivery is ordered.

DISCLAIMER

- All orders of laboratory and bioinformatic services must be submitted on line using our website www.seqme.eu unless agreed otherwise.
- We reserve the right to invoice steps taken for individual sample processing and/or partial data delivery.
- Please notice that due to the fast technical development it might be possible that between the date of issue of this quote and project start (delivery of samples) technical specifications stated in this document may change. We reserve the right to perform sample analysis by means of employing similar services with comparable outcomes.