

Nabídka: GCZ-NB-22-00874r

DODAVATEL:

GeneTiCA s.r.o.
Služeb 3056/4
108 00 Praha 10

Sídlo: Služeb 3056/4, 108 00 Praha 10

IČ: 25609378, DIČ: CZ25609378
RS: Městský soud Praha, oddíl C vložka 54529
tel: +420 272 701 055, fax: +420 272 653 241
e-mail: genetica@genetica.cz
Internet: www.genetica.cz

ODBĚRATEL:

Adresa:
Fakultní nemocnice Královské Vinohrady

Šrobárova 50
100 34 Praha 10,

tel: 296471111
Email:

Manažer: Kristýna Slabá

Telefon:

e-mail:

CZK

Počet stran: 1

Datum: 15. 11. 2021

Předmět nabídky:

Specifikace:

Číslo	Popis	Množství	Cena za jedn.	Cena bez DPH	DPH
SY-410-1003	MiSeq Sequencing System (demo přístroj; záruka 3 měsíce)	1 Ks	1 999 999,00	1 999 999,00	21%

Celkem bez DPH:	1 999 999,00 CZK
DPH:	419 999,79 CZK
Celkem s DPH:	2 419 998,79 CZK

Uvedená cena zahrnuje cenu systému včetně příslušenství, dopravné, instalaci, potřebné kity pro zaškolení, zaškolení obsluhy, instalační dokumentaci včetně certifikátů výrobce. Součástí dodávky je předání dodací listu, návod k použití v českém jazyce v tištěné i elektronické formě a prohlášení o shodě podle zákona č. 22/1997 Sb., o technických požadavcích na výrobky, v platném znění/ a protokol o instruktáži.

Dodací podmínky:	4 týdny od obdržení objednávky
Záruka zahrnuje:	plnou záruku na díly, práci a cestování; nástup na opravu do 2 pracovních dnů, provedení opravy v nejkratší možné době, při selhání hardware nárok na náhradu sekvenační chemie; záruční podmínky se nevztahují na závady způsobené nedodržením pokynů výrobce. Záruka je stanovena na 3 měsíce do data instalace.

Servis: zajišťuje GeneTiCA s.r.o. ; servisní HOT LINE +420 800 124 683

Platební podmínky: splatnost faktury 60 dnů od obdržení daňového dokladu
Platnost nabídky: do 30.12.2021

Illumina MiSeq systém – technické specifikace

- vysokokapacitní stolní sekvenátor využívající technologii masívně paralelního sekvenování
- kvalita sekvenačních dat:
 - 2 x 75 bp Q30 > 85 % bazí
 - 2 x 150 bp Q30 > 80 % bazí
 - 2 x 300 bp Q30 > 70 % bazí
- délka čtení dle použité chemie až 300bp s možností párového čtení
- integrovaná příprava klastrů v rámci sekvenačního experimentu
- sekvenování syntézou (SBS metoda)
- systém umožňuje získání FASTQ formátu z hrubých sekvenačních dat
- sekvenátor je řízen integrovaným PC
- součástí je vlastní software pro analýzu a další zpracování raw dat
- kapacita získaných dat až 15 giga bází na jeden sekvenační běh
- systém umožňuje resekvenační celogenomové studie, resekvanaci malých genomů
- další možné aplikace: 16S sekvenování, sekvenování malých RNA, cílené profilování genové exprese,...